

Межрегиональная общественная организация
«Паразитологическое общество» Российской академии наук
Институт биологии южных морей им А. О. Ковалевского РАН
Зоологический институт РАН
Российский фонд фундаментальных исследований



ШКОЛА по теоретической и морской ПАРАЗИТОЛОГИИ

**VII Всероссийская
конференция с международным участием**

9–14 сентября 2019, г. Севастополь

Тезисы докладов

Севастополь
2019

УДК 576.895.122:[591.4+575](262.5)

Морфологическая и генетическая изменчивость *Gyrodactylus sphinx* (Platyhelminthes: Monogenea) из Черного моря

Прохорова Д. А., Водясова Е. А., Дмитриева Е. В.

*ФИЦ «Институт биологии южных морей им. А.О. Ковалевского РАН»,
г. Севастополь, Россия; daryastafev@gmail.com*

Моногенея *Gyrodactylus sphinx* Dmitrieva & Gerashev, 2000 была описана от *Aidablennius sphinx* из Черного моря, позднее этот гиродактилюс был найден в Средиземном море у побережья Сардинии на *Salaria pavo* и *S. basilisca*. Морфологический анализ гиродактилюсов, собранных от черноморских *A. sphinx* и *S. pavo*, и сравнение с материалами из Средиземного моря подтвердили принадлежность этих моногеней к одному виду. *G. sphinx* впервые найден на *S. pavo* в Черном море. Были получены и проанализированы последовательности рибосомального кластера ITS1-5.8S-ITS2 длиной 1100 п.н. для 15 особей *G. sphinx*, собранных с пяти экземпляров *A. sphinx*, выловленных в б. Карантинная (Севастополь). Не выявлено генетической изменчивости между этими гиродактилюсами по данному участку ДНК. Проведен филогенетический анализ на основе сравнения данных по изменчивости рассматриваемого рибосомального кластера у *G. sphinx* из нескольких районов Черного и Средиземного морей от двух разных хозяев, а также последовательностей из базы GenBank NCBI, принадлежащих к 20 другим видам *Gyrodactylus*, паразитирующим у морских рыб. Выявлено, что пробы из Черного моря не демонстрируют гомогенности, которая могла бы свидетельствовать об изоляции между бассейнами. Последовательности, полученные от моногеней, собранных у побережья Кавказа, вошли в один кластер со средиземноморскими пробами, тогда как большая часть особей, изученных у побережья Крыма, образовала обособленный кластер. Обсуждается генетическая структура *G. sphinx* в Черном море. Кроме того, этот вид оказался филогенетически близким к *G. orecchiaie*, паразитирующим на *Sparus aurata* в Адриатическом море.

Исследование поддержано финансированием по темам №АААА-А18-118020890074-2 и АААА-А19-119060690014-5 госзадания ФИЦ ИнБЮМ.

Morphological and genetic variability of *Gyrodactylus sphinx* (Platyhelminthes: Monogenea) from the Black Sea

Prokhorova D. A., Vodiasova E. A., Dmitrieva E. V.

*A.O. Kovalevsky Institute of Biology of the Southern Seas of RAS, Sevastopol, Russia;
daryastafev@gmail.com*

Morphological analysis of gyrodactylids, which were collected from *Aidablennius sphinx* and *Salaria pavo* in the Black Sea and the Mediterranean Sea, confirmed their belonging to the same species *Gyrodactylus sphinx*. This species was found on *S. pavo* in the Black Sea for the first time. Study of sequences of the ribosomal cluster ITS1-5.8S-ITS2, 1100 bp in length, for 15 specimens of *G. sphinx* collected off Crimea, did not reveal genetic variability between these gyrodactyluses. Based on this DNA fragment the phylogenetic analysis including *G. sphinx* samples from several regions of the Black and Mediterranean seas from different hosts and 20 other *Gyrodactylus* spp. was carried out. The heterogeneity of the Black Sea samples was revealed, which may indicate a lack of isolation between these basins. Moreover, it was shown *G. sphinx* are closely related to *G. orecchiaie* parasitising *Sparus aurata* in the Adriatic Sea.